

november 2018

Vejledning til CasemixGrouper



**SUNDHEDSDATA-
STYRELSEN**

Indhold

1.	Indledning	4
1.1	Takstsystem og Versionering.....	4
1.2	Hvad kan grupperes.....	4
2.	Grupperingsflow.....	5
3.	Opsætning af inputdata.....	6
3.1	Inputfiler.....	6
3.1.1	FORL	6
3.1.2	STAM	7
3.1.3	DIAG	10
3.1.4	PROC	11
3.2	Sortering af inputfiler	12
3.3	Interne koder.....	13
4.	Gruppering af inputdata	15
4.1	Eksempel på kommandokald i SAS.....	16
4.2	Eksempel på kommandokald i kommandoprompt	17
5.	Sådan fungerer CasemixGrouperen.....	20
5.1	Loopmetode.....	20
5.1.1	Eksempel på Loopmetode	21
6.	Output fra CasemixGrouper	22
6.1	Outputfiler	22
6.1.1	OUTFORL.....	22
6.1.2	OUTCALCDIAG	25
6.1.3	OUTCALCPROC	26
6.1.4	TRACE.....	28
6.2	Eksempel på indlæsning af resultat i SAS.....	29
7.	Variable anvendt i grupperingen - i data leveret til regioner	31

1. Indledning

CasemixGrouperen er et stykke software, der anvendes af Sundhedsdatastyrelsen til at gruppere data fra landspatientregistret. At gruppere data vil sige, at det inputdata, der køres igennem CasemixGrouperen tildeles en DRG-gruppe. Tildelingen sker efter en grupperingslogik og den gældende for det pågældende år kan ses på VisualDRG (<http://visualdrg.sundhedsdata.dk/>). Det er også CasemixGrouperen, der anvendes i InteraktivDRG (<http://interaktivdrg.sundhedsdata.dk/>).

Denne vejledning henvender sig til dem, der gerne vil anvende CasemixGrouperen til selv at gruppere data. Vejledningen indeholder en beskrivelse af inputdata til brug for CasemixGrouperen, hvordan CasemixGrouperen køres samt en beskrivelse af output.

I vejledningen anvendes et gennemgående eksempel til at vise, hvordan inputfiler og outputfiler ser ud.

1.1 Takstsystem og Versionering

CasemixGrouperen anvendes fra takstsystem 2018 og frem.

Der er versionering af CasemixGrouperen og det er angivet sidst i navnet på CasemixGrouperen, hvilken version der er tale om – Fx DRG2018v**94**.

Grupperingslogikken, som CasemixGrouperen dannes ud fra, kan ændre sig i løbet af året, da grupperingslogikken opdateres med nyoprettede SKS-koder. Derfor kan der være flere versioner af CasemixGrouperen hen over året.

1.2 Hvad kan grupperes

CasemixGrouperen kan gruppere enkelt kontakter (fx et besøg eller en indlæggelse på et sygehus) og forløb. Et forløb kan bestå af en eller flere kontakter. Det skal defineres i inputdata, hvilke kontakter, der hører til hvilke forløb.

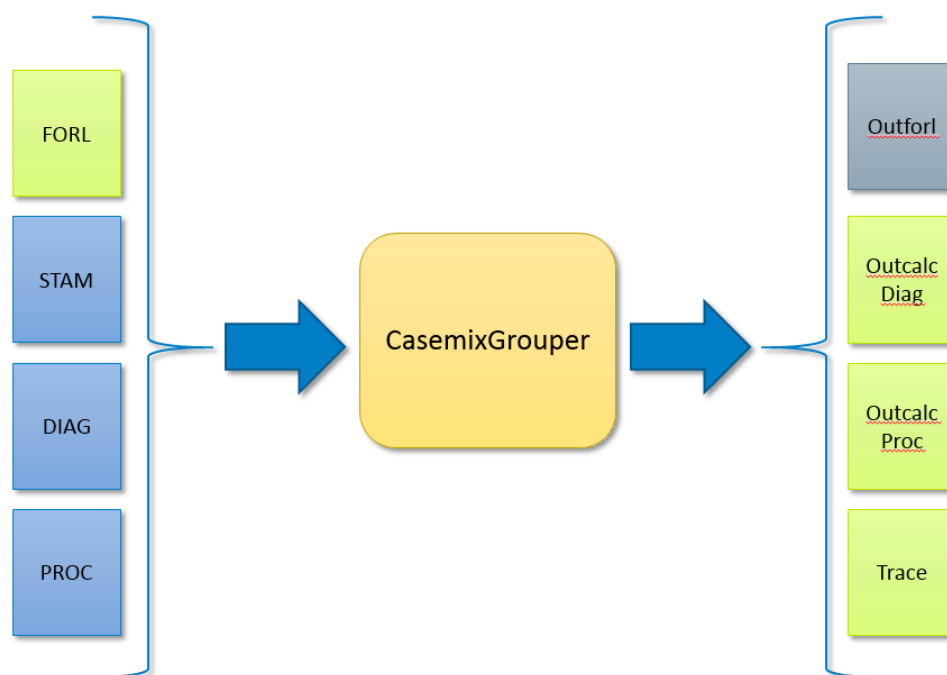
Sundhedsdatastyrelsen anvender CasemixGrouperen til at gruppere data fra Landspatientregistret. For nærmere beskrivelse af de kontakter og DRG-sygehusforløb, der anvendes af Sundhedsdatastyrelsen i DRG-grupperingen, henvises til takstvejledningen for 2018 (<https://sundhedsdatastyrelsen.dk/-/media/sds/filer/finansiering-og-afregning/takster/2018/takstvejledning.pdf>).

Hos Sundhedsdatastyrelsen medgår en kontakt altid i ét og kun ét forløb.

2. Grupperingsflow

Figur 1 viser grupperingsflowet. I venstre side er inputfilerne angivet og i højre side er outputfilerne. De grønne kasser er valgfrie og afhænger af hvilket kommandokald man anvender.

Figur 1 Grupperingsflow



Note: Filerne til venstre er input til CasemixGrouperen og filerne til højre er output. De grønne er valgfrie og afhængige af det anvendte kommandokald

CasemixGrouperen kræver en række kommaseparerede inputfiler med forskellige informationer. I næste afsnit beskrives, hvad disse inputfiler skal indeholde, og hvordan de dannes.

Når man har dannet inputfilerne, så indlæses disse i Grouperen ved at anvende et kommandokald, der beskrives nærmere i afsnittet *Gruppering af inputdata*.

Når CasemixGrouperen har kørt data igennem, dannes der en række outputfiler. Type og antal afhænger af, hvilket kommandokald man anvender. Indhold i outputfilerne beskrives i afsnittet *Outputfiler*.

3. Opsætning af inputdata

Det er vigtigt at data er sat korrekt op før det indlæses i grouperen. Hvis data ikke er opsat korrekt kan det resultere i forkert output eller at grouperen ikke vil køre.

Det er muligt at gruppere enkelt kontakter og forløb hver for sig, men det er også muligt at gruppere begge dele i samme gruppering. Oplysningerne vedrørende hvilke kontakter, der hører til hvilke forløb skal angives i inputfilerne.

3.1 Inputfiler

CasemixGrouperen skal bruge følgende inputfiler:

- FORL (*hvis der grupperes forløb*)
 - Filen indeholder oplysninger omkring, hvilke kontakter, der indgår de enkelte forløb
- STAM
 - Filen indeholder stamoplysninger på de enkelte kontakter og forløb. Det vil sige køn, alder, antal kontaktdage, udskrivningsmåde, kontakttype og kontaktårsag
 - Hvis der grupperes forløb, så består filen af to dele – øverste del vedrører de enkelte kontakter og den anden del vedrører forløb
- DIAG
 - Filen indeholder alle diagnoserne tilhørende kontakterne.
 - Diagnoserne til forløb hentes via kontakternes id
 - Der er ingen øvre grænse for antal diagnoser
- PROC
 - Filen indeholder alle procedurerne tilhørende kontakterne.
 - Procedurerne til forløb hentes via kontakternes id
 - Der er ingen øvre grænse for antal procedurer

Filerne er kommaseparerede tekst-filer. Herunder følger en nærmere beskrivelse af de forskellige inputfiler.

3.1.1 FORL

Filen anvendes kun, hvis der skal grupperes forløb, og indeholder oplysninger omkring hvilke kontakter, der indgår i de forskellige forløb, samt hvilket type forløb, der er tale om.

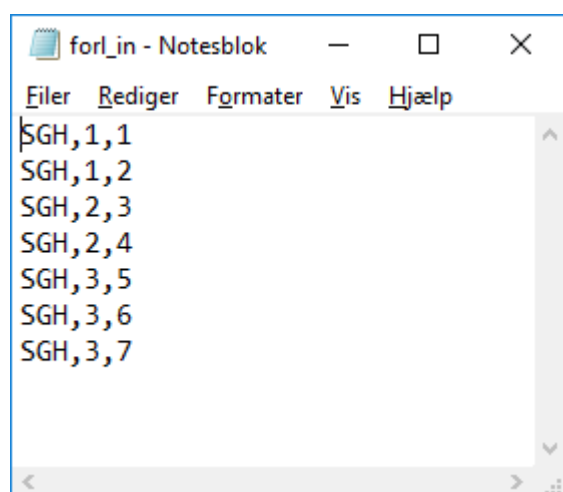
Filen indeholder 3 variable, der skal komme i den rækkefølge, der er angivet i Tabel 1.

Tabel 1 Variable i FORL-fil

Variabel	Beskrivelse
ForlType	Er typen for et bestemt forløb. Kan være vilkårlig tekst, men alle rækker, der hører til den samme forløbstype skal indeholde samme tekst. Tager tekststreng, Fx: SGH
ForlId	Er identen for et bestemt forløb inden for forløbstypen i kolonnen ForlType. Tager kun heltal (Int64), Fx: 1
RecId	Er id for en enkelt kontakt, der hører til forløbet. Tager kun heltal (Int64), Fx: 1

3.1.1.1 Eksempel på FORL-tabel

I nedenstående eksempel er der 3 forløb. Forløb 1 består af kontakt 1 og 2. Forløb 2 består af kontakt 3 og 4. Forløb 3 består af kontakt 5, 6 og 7.



3.1.2 STAM

Indeholder stamoplysninger omkring patientkontakten/forløbet. Det vil sige køn, alder, indskrivningsmåde, antal kontaktdage, afslutningsmåde, kontaktttype og kontaktårsag

Hvis der skal grupperes forløb, så kan man dele filen op i to dele, hvor den øverste del indeholder oplysninger vedrørende de enkelte kontakter og den nederste del indeholder oplysninger omkring de enkelte forløb.

Da nogle af stamoplysningerne kan være forskellige på de kontakter, der indgår i forløb sammen, er det nødvendigt at foretage valg omkring fra hvilke kontakter oplysningerne skal hentes.

Hos Sundhedsdatastyrelsen vælges nogle af variablene ud fra hvilken kontakt, der er indkontakt og hvilken der er udkontakten. Som udgangspunkt er det kontakternes ind- og udtidspunkt, der afgør hvilken kontakt der er indkontakten og hvilken der er udkontakten. Den tidsmæssigt første bliver indkontakt og den tidsmæssigt sidste bliver udkontakt. Består forløbet af flere typer kontakter, vægtes stationære/akut-ambulante dog over elektiv ambulante kontakter i definitionen af ind- og udkontakt ved datosammenfald.

Valg foretaget til forløbet hos Sundhedsdatastyrelsen er angivet i nedenstående tabel.

Tabel 2 indeholder en beskrivelse af de forskellige variable i STAM-filen.

Tabel 2 Variable i STAM-fil

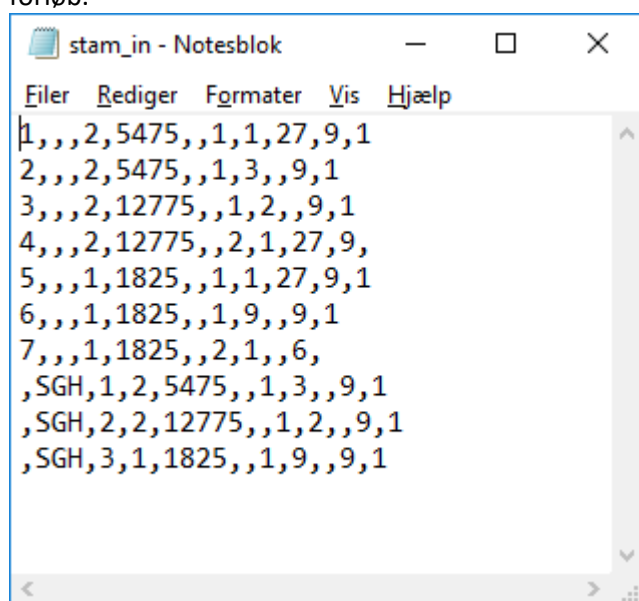
Variabel	Beskrivelse	Valg til forløb
RecId	Er id for en enkelt kontakt. Der er kun én række med stamdata for hver enkelt kontakt. Tager kun heltal (Int64), Fx: 1	
ForlType	Er typen for et bestemt forløb. Kan være vilkårlig tekst, men alle rækker der hører til den samme forløbstype skal indeholde samme tekst. Skal være tom, hvis der ikke grupperes forløb. Tager tekststrenger, Fx: SGH	Denne er altid sat lig med SGH hos Sundhedsdatastyrelsen
ForlId	Er id for et bestemt forløb inden for forløbstypen i kolonnen ForlType. Skal være unik inden for typen. Tager kun heltal (Int64), Fx: 1	
Sex	Køn. Mand = 1, Kvinde = 2. Tager kun heltal, Fx: 1	Antages at være ens for alle kontakter i samme forløb
Age	Alder i dage på inddatoen på kontakten. Angivet i dage. Tager kun heltal, Fx: 5475	Alder i dage på indkontakt
Surv dage	Antal dage fra vigtigste operation til udskrivningsdato. Anvendes ikke fra og med 2018, hvorfor denne variabel kan efterlades tom. Tager kun heltal, Fx:	Efterlades tom
Indm	Indskrivningsmåde. Variablen angiver, om indlæggelsen/besøget var akut eller planlagt. Akut = 1, ikke akut = 2. Tager kun heltal, Fx: 1	Indskrivningsmåde fra indkontakt
Kontakt dage	Antal dage kontakten varer (uddato-inddato+1). Mindst 1. Tager kun heltal, Fx: 1	Beregnes ud fra indtidspunkt og udtidspunkt for forløbet (uddato-inddato+1)
Afslutning	Afslutningsmåde. Kan antage værdierne '13', '27' og ' '. '13'=død, '27'=afsluttet til sygehusafsnit. ' '=øvrige. Tager tekststrenger, Fx: 27	Afslutningsmåde fra udkontakt
Kontakttype	Kontakttype. Beskriver besøgstype: Egne forløb=6, Ikke besøgt=5, Øvrige=9	Højeste værdi ud af alle kontakttyper, der indgår i forløbet

Variabel	Beskrivelse	Valg til forløb
	I DRG-data vil alle stationære og akut-ambulante have DRG-kontakttypen sat til værdien 9. For elektiv ambulante DRG-kontakter er der tale om et ikke-besøg, hvis der er registreret en procedure på en given dato, hvor der ikke samtidigt er registreret et ambulant besøg. Disse får værdien 5 i DRG-kontakttype. For elektiv ambulante DRG-kontakter, hvor der er registreret et ambulant besøg, men specialet ikke indgår i rækken af kliniske specialer ¹ , defineres kontakten som "egne forløb", og DRG-kontakttypen sættes til 6. Tager tekststreng, Fx: 9	
Kontaktaarsag	Kontaktårsag som indberettes til LPR. Tager tekststreng, Fx: 1	Kontaktårsag fra indkontakt i forløbet

Note: Valg til forløb er de valg som Sundhedsdatastyrelsen har foretaget i dannelsen af DRG-grupperet data

3.1.2.1 Eksempel på STAM-fil

Nedenstående er et eksempel på en STAM-fil anvendt til gruppering af både enkelt kontakter og forløb.



I eksemplet anvendt i denne vejledning er kontakterne nummereret efter, hvornår de tidsmæssigt er i forløbet.

For forløb 2 ses det, at der ikke er angivet en afslutningsmåde selvom der står '27' ved den sidste kontakt (4). Det vil sige at kontakt 3 er blevet defineret som udkontakt. Faktisk er kontakt 3 (en

¹ Kliniske specialer inkluderer; 00, 01, 02, 03, 04, 05, 06, 07, 08, 09, 10, 11, 12, 14, 15, 18, 20, 22, 30, 31, 32, 33, 34, 35, 38, 39, 40, 42, 44, 46, 48, 80, 84, 86, 90, 91, 99.

indlæggelse) både ind- og udkontakt for forløbet, da kontakt 4 er et ambulante besøg. At indlæggelsen tæller over ambulante besøg i forbindelse af valg til ind- og udkontakter er et valg Sundhedsdatastyrelsen har foretaget i opsætning af data til anvendelse af grupperingen.

3.1.3 DIAG

Indeholder oplysninger omkring aktionsdiagnosen og tilhørende tillægskoder samt bidiagnoser. Der er ikke en øvre grænse på antallet af diagnoser, dog kan en kontakt kun have én aktionsdiagnose.

Det er angivet under 'type', om det er en aktionsdiagnose, bidiagnose eller tillægskode.

Tabel 3 indeholder en oversigt og beskrivelse af de forskellige variable i DIAG-filen.

Tabel 3 Variable i DIAG-fil

Variabel	Beskrivelse
ReclId	ReclId er id for en enkelt kontakt. Alle rækker med samme id hører til den samme enkelt kontakt. Tager kun heltal (Int64), Fx: 1
Type	Fortæller hvilken type diagnose det drejer sig om. A = aktionsdiagnose, B = bidiagnose og T = tillægskodning til aktionsdiagnosen. Tager kun tekststrengene der indeholder et af bogstaverne (A, B eller T), Fx: A
Code	Diagnose eller tillægskode på kontakten under ReclId Tager tekststrengene, Fx: DR060

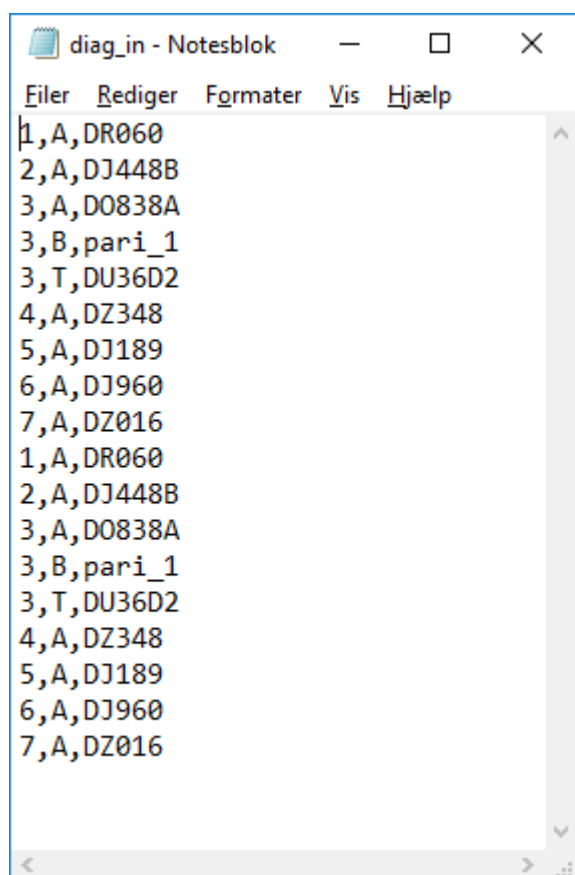
Bemærkninger:

Hvis en enkelt kontakter har fået tildelt flere aktionsdiagnoser, så vil kun den sidste blive brugt som aktionsdiagnose og resten vil blive ignoreret.

Ved gruppering af forløb, så skal diagnoserne ligge dobbelt i filen. Først for de enkelte kontakter og så igen for forløbene, men med henvisning til id på de kontakter, der indgår i forløbet. Læs mere om sortering i afsnittet 3.2 Sortering af inputfiler.

3.1.3.1 Eksempel på DIAG-fil

Nedenstående fil anvendes til en gruppering, hvor der både grupperes kontakter og forløb. Det vil sige, at diagnoserne og tillægskoder ligger dobbelt.



```
diag_in - Notesblok
File Rediger Formater Vis Hjælp
1,A,DR060
2,A,DJ448B
3,A,D0838A
3,B,pari_1
3,T,DU36D2
4,A,DZ348
5,A,DJ189
6,A,DJ960
7,A,DZ016
1,A,DR060
2,A,DJ448B
3,A,D0838A
3,B,pari_1
3,T,DU36D2
4,A,DZ348
5,A,DJ189
6,A,DJ960
7,A,DZ016
```

I ovenstående eksempel er en af bidiagnoserne 'pari_1'. Dette er ikke en SKS-kode, men en intern kode dannet af Sundhedsdatastyrelsen. Disse beskrives nærmere i afsnit 3.3.

3.1.4 PROC

Indeholder alle procedurer med angivelse af, hvilke kontakter de tilhører. Procedureerne til forløbene hentes via kontakternes id. Der er ingen øvre grænse for antal procedurer.

Det er angivet under 'type', om det er en procedure eller en tillægskode.

Tabel 4 indeholder en oversigt og beskrivelse af de forskellige variable i PROC-filen.

Tabel 4 Variable i PROC-fil

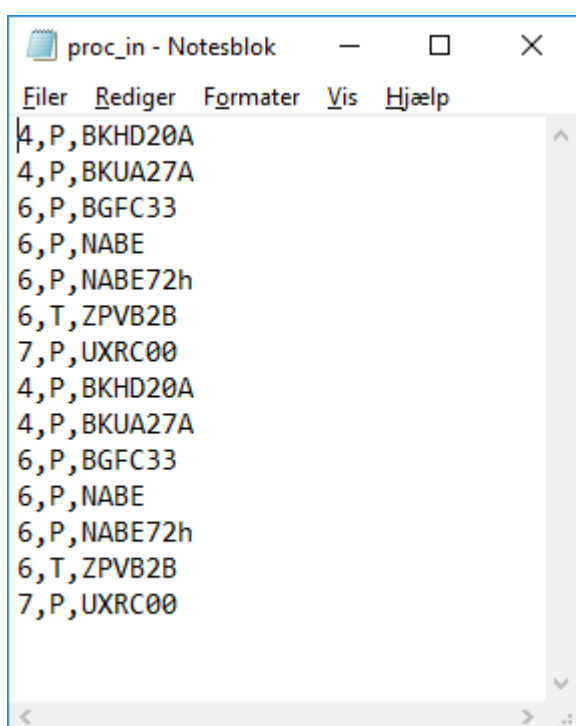
Variabel	Beskrivelse
RecId	RecId er id for en enkelt kontakt. Alle rækker med samme id hører til den samme enkelt kontakt. Tager kun heltal (Int64), Fx: 5
Type	Fortæller hvilken type proceduren har. T = tillægskode til procedurer og P = procedure. Tager kun tekststrengene der indeholder et af bogstaverne (P eller T), Fx: P
Code	Procedure eller tillægskode på kontakten under RecId Tager tekststrengene, Fx: BKHD20A

Bemærkninger

Ved gruppering af forløb, så skal procedurerne ligge dobbelt i filen. Først for de enkelte kontakter og så igen for forløbene, men med henvisning til id på de kontakter, der indgår i forløbet. Læs mere om sortering i afsnittet 3.2 Sortering af inputfiler.

3.1.4.1 Eksempel på PROC-fil

Nedenstående fil er en PROC-fil, der anvendes til en gruppering, hvor der både grupperes kontakter og forløb. Det vil sige, at procedurer og tillægskoder ligger dobbelt.



```

4,P,BKHD20A
4,P,BKUA27A
6,P,BGFC33
6,P,NABE
6,P,NABE72h
6,T,ZPVB2B
7,P,UXRC00
4,P,BKHD20A
4,P,BKUA27A
6,P,BGFC33
6,P,NABE
6,P,NABE72h
6,T,ZPVB2B
7,P,UXRC00
  
```

3.2 Sortering af inputfiler

Det er vigtigt at bemærke at sorteringen i inputfilerne har stor betydning.

For at CasemixGrouperen kan gruppere hurtigt og ikke skal holde meget data i hukommelsen er det nødvendigt, at data ligger i den korrekte rækkefølge i filerne. Dermed kan CasemixGrouperen nøjes med at holde lidt data i hukommelsen og undlade at skulle slå op i denne hukommelse hele tiden.

Tabel 5 indeholder en oversigt over hvilke variable filerne skal sorteres efter afhængigt af hvad det er der grupperes.

Hvis der fx kun grupperes enkelt kontakter, så skal STAM-filen sorteres efter Recid, og hvis det kun er forløb, der grupperes, så skal filen sorteres efter ForlId. Hvis der både skal grupperes enkelt kontakter og forløb, så skal filen både sorteres efter Recid og ForlId.

Tabel 5 Sortering af inputfiler

Hvad skal grupperes			
Fil	Kontakter	Forløb	Kontakter og forløb
FORL		ForlId RecId	ForlId RecId
STAM	RecId	ForlId	Kontaktinfo sorteres efter RecId Forløbsinfo sorteres efter ForlId Kontaktinfo kommer først i filen og dernæst forløbsinfo
DIAG	RecId	ForlId RecId	Diagnoser skal ligge dobbelt, hvis der grupperes forløb. Først sorteres diagnoseinfo efter RecId (Tabel 1) Derefter sorteres diagnoseinfo efter ForlId, RecId (Tabel 2) Info lægges sammen i én fil (Tabel 1 + Tabel 2), hvor diagnoseinfo sorteret efter RecId (Tabel 1) ligger først
PROC	RecId	ForlId RecId	Procedurer skal ligge dobbelt, hvis der grupperes forløb. Først sorteres procedureinfo efter RecId (Tabel 1) Derefter sorteres procedureinfo efter ForlId, RecId (Tabel 2) Info lægges sammen i én fil (Tabel 1 + Tabel 2), hvor procedureinfo sorteret efter RecId (Tabel 1) ligger først

I eksemplet anvendt i denne vejledning kommer diagnoser og procedure i samme rækkefølge uanset om der kun er sorteret efter Recid eller om der er sorteret efter ForlId og RecId. Det skal bemærkes at dette ikke altid vil være tilfældet. Havde der fx i eksemplet været en kontakt 8, der indgik i forløb 1, så ville rækkefølgen være anderledes i de to sorteringer.

3.3 Interne koder

I grupperingslogikken anvendes en række interne koder, der ikke er en del af SKS-klassifikationen, men som er koder dannet af Sundhedsdatastyrelsen. De interne koder anvendes til at koble tillægskoder til bestemte diagnoser og procedurer. Interne koder tilføjes inputdata enten som bidiagnose eller procedure.

Et eksempel er den interne kode *KCJElinse*, der dannes hvis en af procedurerne under KCJE² er tillægskodet med en af følgende tillægskoder KZAA00, KZAA01, KZAA04, KZAA04A, KZAA04B, KZAA05 eller KZAA99.

Oversigt over alle interne koder kan findes på VisualDRG under DRG → SKS-koder (<http://visualdrg.sundhedsdata.dk/Classification/Usage/2018/DRG>).

² * angiver at alle underkoder er med

Der er dog interne koder, der dannes ud fra andre variable, men som stadig indsættes som bidiagnose. Det drejer sig om følgende i Tabel 6.

Tabel 6 Interne koder, der ikke dannes ud fra tillægskoder

Intern kode	Navn	Forklaring
bmi_o35	BMI over 35	BMI beregnes ved fødsel ud fra tillægskoderne til ZZ0240 og ZZ0241. Hvis BMI er over 35 indsættes bmi_o35 som bidiagnose
pari_1	Førstegangsfødende	Hvis variablen v_paritet fra LPR er lig 1 ved fødsel, da indsættes pari_1 som bidiagnose
pari_fler	Fleregangsfødende	Hvis variablen v_paritet fra LPR er større end 1 ved fødsel, da indsættes pari_fer som bidiagnose
fejl_hojd	Angiven vægt før grav. ligger uden for intervallet 30-200 kilo	Hvis tillægskoden til ZZ0241 ligger uden for intervallet VPH0030-VPH0200 indsættes fejl_hojd som bidiagnose ved fødsel
fejl_vagt	Angiven højde før grav. ligger uden for intervallet 0,80-2,1 meter	Hvis tillægskoden til ZZ0240 ligger uden for intervallet VPH0080-VPH0210 indsættes fejl_vagt som bidiagnose ved fødsel

Kilde: <http://visualdrg.sundhedsdata.dk/Interne%20koder%20til%20DRG2018.xlsx>

4. Gruppering af inputdata

Når man skal køre CasemixGrouperen, så skal man anvende det man kalder et kommandokald. Et kommandokald er det, der bruges til at eksekvere CasemixGrouperen og hvor man angiver, hvor inputfilerne og outputfilerne ligger, og hvad de hedder. Derudover angives det også, hvad man ønsker CasemixGrouperen skal gruppere – enkeltkontakter, forløb eller begge dele. Kommandokaldet kan fx skrives i et program i SAS eller i en kommandoprompt.

Selve kommandokaldet til CasemixGrouperen består af følgende dele:

```
DRG20AAvXX.exe [--indiag <path>] [--inproc <path>]
[--instam <path>] [--inforl <path>] [--outcalcdiag <path>]
[--outcalcproc <path>] --outforl <path> [--trace <path>]
[--takst] <kommando>
```

```
<kommando> ::= ( --Rec | --Forl | --ForlCalc | --ForlCalcRec )
```

I Tabel 7 er en forklaring af de forskellige dele af kommandokaldet og i Tabel 8 beskrives de forskellige kommandoer man kan vælge at anvende.

Tabel 7 Indhold i kommandokald

Del af kommandokald	Type	Skal anvendes ved	Forklaring
DRG20AAvXX.exe	CasemixGrouper	Alle kommandoer	Selve CasemixGrouper programmet. AA: takstsystem år - Fx: 18 XX: Versionsnummer - Fx: DRG2018v94.exe
--inproc <path>	Input	Alle kommandoer	Stien til inputfilen med diagnosekoder
--inproc <path>	Input	Alle kommandoer	Stien til inputfilen med procedurekoder
--instam <path>	Input	Alle kommandoer	Stien til inputfilen med stamdata
--inforl <path>	Input	--Forl --ForlCalc --ForlCalcRec	Valgfri hvis <kommando> ikke skal bruge filen. Stien til inputfilen med forløbsinformation
--outcalcdiag <path>	Output	--ForlCalc --ForlCalcRec	Valgfri hvis <kommando> ikke skal bruge filen. Stien til outputfilen for genereret diagnosekoder i forløb
--outcalcproc <path>	Output	--ForlCalc --ForlCalcRec	Valgfri hvis <kommando> ikke skal bruge filen. Stien til outputfilen for genereret procedurekoder i forløb
--outforl <path>	Output	Alle kommandoer	Skal angives. Stien til output filen for kontakter/forløb
--trace <path>	Output	Er valgfri og kan anvendes ved alle kommandoer	Valgfri. Stien til filen, der skal indeholde trace informationer for grupperingen. Angiver med T (true) eller F (false) for

Del af kommandokald	Type	Skal anvendes ved	Forklaring
			hver egenskab (svarer til kasserne på VisualDRG), som der er gået igennem, hvorvidt kontakten/forløbet opfylder denne
--takst	Output	Er valgfri og kan anvendes ved alle kommandoer	Valgfri. Grouperen inkluderer takster i output
Kommando	Kommando		Vælg en af følgende kommandoer: --Rec --Forl --ForlCalc --ForlCalcRec

Tabel 8 Kommando

Kommando	Beskrivelse
--Rec	Grupperer enkelt kontakter
--Forl	Grupperer forløb
--ForlCalc	Grupperer forløb Output består også af alle genererede forløb i alle forløb
--ForlCalcRec	Grupperer både enkeltrecords og forløb Output består også af alle genererede forløb i alle forløb

4.1 Eksempel på kommandokald i SAS

Nedenstående er et eksempel på et kommandokald i SAS, hvor der er anvendt kommandoen --ForlCalcRec.

```
filename cmd pipe 'F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\DRG2018v94.exe
  --india "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\diag_in.in"
  --inproc "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\proc_in.in"
  --instam "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\stam_in.in"
  --inforl "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\forl_in.in"
  --outcalcdia "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\calcdia94.out"
  --outcalcproc "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\calcproc94.out"
  --outforl "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\DRG2018v94_forlcalcrec.out"
  --ForlCalcRec';

data _null_;
  infile cmd;
  input;
  put _infile_;
run;
```


Grunden til, at der her anvendes `cmd pipe` er, at der på denne måde skrives i loggen i SAS som vist i nedenstående.

```

Log - (Untitled)
139 filename cmd pipe 'F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\DRG2018v94.exe
140 --indiag "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\diag_in.in"
141 --inproc "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\proc_in.in"
142 --instan "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\stan_in.in"
143 --inforl "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\forl_in.in"
WARNING: The quoted string currently being processed has become more than 262 characters long. You
might have unbalanced quotation marks.
144 --outcalcdiag "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\calcdiav94.out"
145 --outcalcproc "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\calcprocv94.out"
146 --outforl "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\DRG2018v94_forlcalcrec.out"
147 --ForlCalcRec;
148
149 data _null_;
150   infile cmd;
151   input;
152   put _infile_;
153 run;

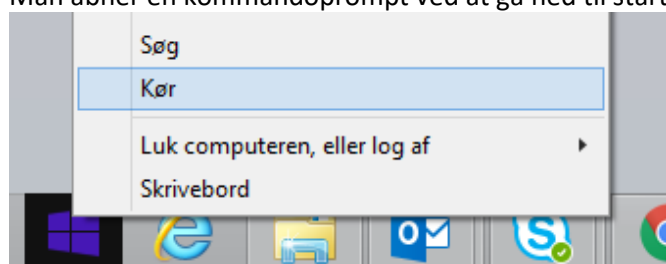
NOTE: The infile CMD is:
      Unnamed Pipe Access Device,

      PROCESS=F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\DRG2018v94.exe --indiag
      "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\diag_in.in" --inproc
      "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\proc_in.in" --instan
      "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\stan_in.in" --inforl
      "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\in\forl_in.in" --outcalcdiag
      "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\calcdiav94.out" --outcalcproc
      "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\calcprocv94.out" --outforl
      "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\DRG2018v94_forlcalcrec.out" --ForlCalcRec,
      RECFM=V,LRECL=32767

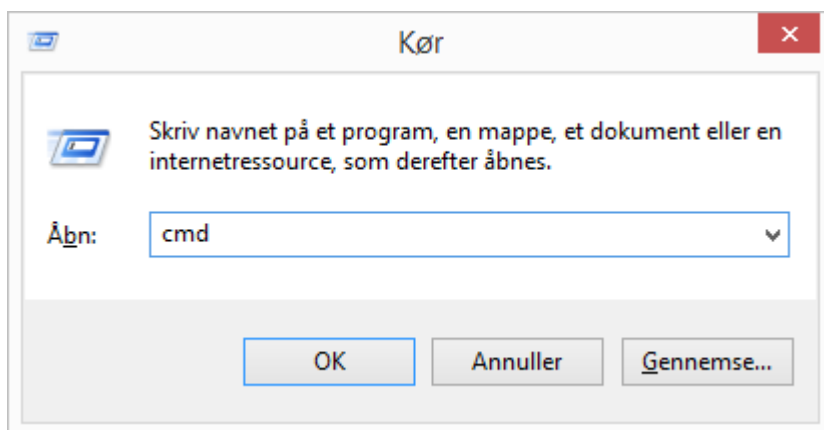
DRG 2018 V94
Grouping...Time:
h: 0 m: 0 s:1 ms:925
NOTE: 3 records were read from the infile CMD.
      The minimum record length was 12.
      The maximum record length was 20.
NOTE: DATA statement used (Total process time):
      real time      2.93 seconds
      cpu time       0.01 seconds
  
```

4.2 Eksempel på kommandokald i kommandoprompt

Man åbner en kommandoprompt ved at gå ned til start og vælge *Kør*:



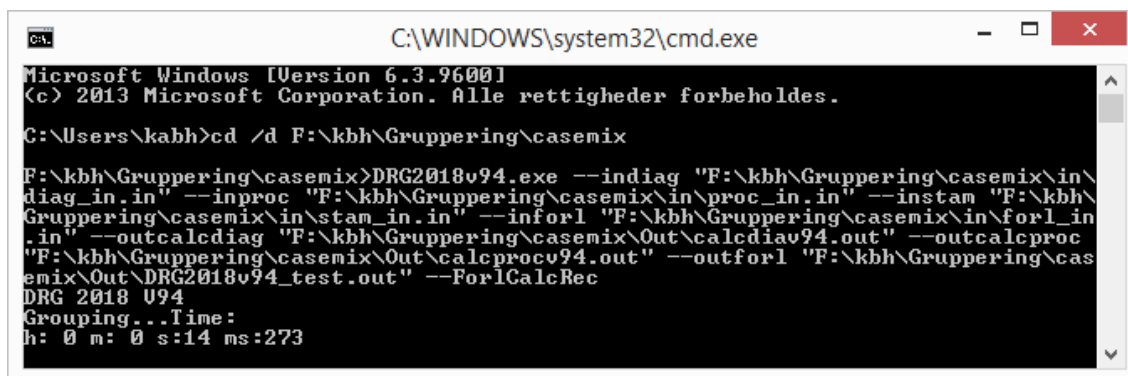
Herefter skriver man *cmd* i feltet og trykker OK.



I nedenstående, Figur 2, startes kommandoprompten på en anden sti end der hvor CasemixGrouperen er placeret, og der tasteres derfor **cd /d** efterfulgt af den ønskede sti, og derefter trykkes enter.

Når man er på den ønskede sti skrives kommandokaldet. Det er vigtigt, at der ikke er linjeskift i kommandokaldet. Skriv eventuelt hele kommandokaldet i programmet notesblok, eller et lignende tekstprogram, og kopier den herfra.

Figur 2 Eksempel på kørsel via kommando prompt



Når CasemixGrouperen kører skriver den hvilken version af CasemixGrouperen, der anvendes (DRG2018v94 i ovenstående) samt teksten "Grouping...".

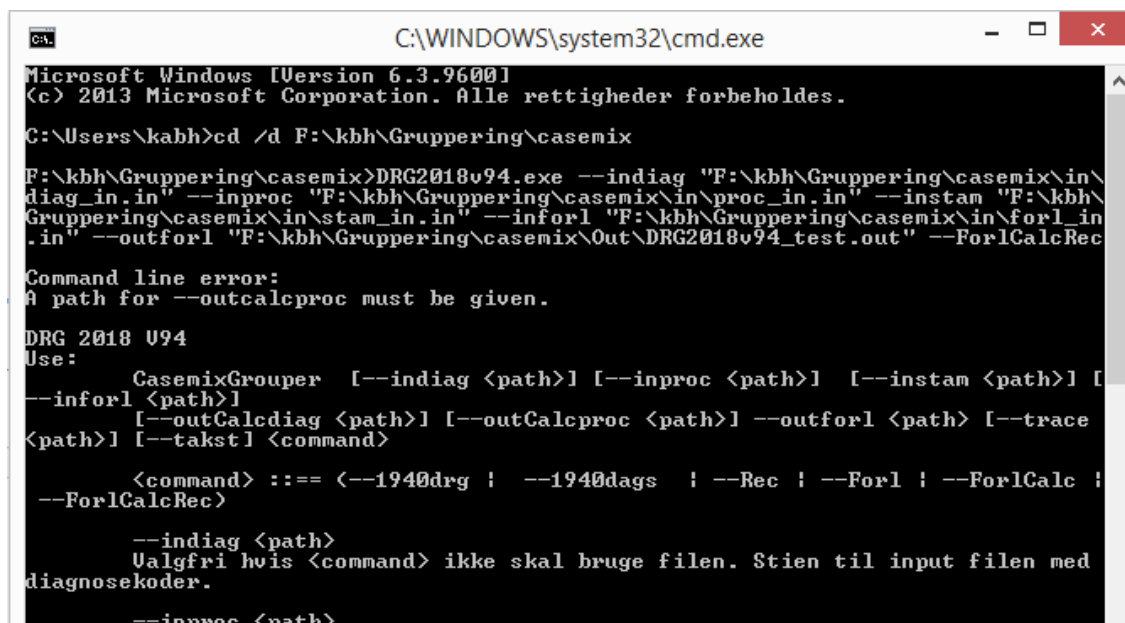
Når der står hvor lang tid det har taget at gruppere (fx *h:0 m:0 s:14 ms:273*), betyder det at CasemixGrouperen er færdig med at køre.

4.2.1.1 Fejl

Hvis der er fejl i kommandokaldet, eller andet der gør, at CasemixGrouperen ikke kan køre, så kommer der en fejlmeddelelse i kommandoprompten efterfulgt af beskrivelse af, hvordan kommandokaldet skal angives. Bemærk at den beskrivelse, der kommer ved fejlmeddelelsen er en smule anderledes end i denne vejledning.

I nedenstående eksempel anvendes --ForlCalcRec, men det er ikke defineret hvor --outcalcdiag og --outcalcproc skal ligge.

Figur 3 Eksempel på fejl i kørsel i kommando prompt



```

C:\WINDOWS\system32\cmd.exe
Microsoft Windows [Version 6.3.9600]
(c) 2013 Microsoft Corporation. Alle rettigheder forbeholdes.

C:\Users\kabh>cd /d F:\kbh\Gruppering\casemix

F:\kbh\Gruppering\casemix>DRG2018v94.exe --indiag "F:\kbh\Gruppering\casemix\in\
diag_in.in" --inproc "F:\kbh\Gruppering\casemix\in\proc_in.in" --instam "F:\kbh\
Gruppering\casemix\in\stam_in.in" --inforl "F:\kbh\Gruppering\casemix\in\forl_in
.in" --outforl "F:\kbh\Gruppering\casemix\Out\DRG2018v94_test.out" --ForlCalcRec

Command line error:
A path for --outcalcproc must be given.

DRG 2018 V94
Use:
    CasemixGrouper [--indiag <path>] [--inproc <path>] [--instam <path>] [
--inforl <path>]
    [--outCalcdiag <path>] [--outCalcproc <path>] --outforl <path> [--trace
<path>] [--takst] <command>

    <command> ::= <--1940drg ! --1940days ! --Rec ! --Forl ! --ForlCalc !
--ForlCalcRec>

    --indiag <path>
    Valgfri hvis <command> ikke skal bruge filen. Stien til input filen med
diagnosekoder.

    --inproc <path>
  
```

5. Sådan fungerer CasemixGrouperen

Tildelingen af DRG-grupper til inputdata sker efter en grupperingslogik. Grupperingslogikken består af en række regler, der hver peger på en DRG-gruppe. I DRG2018 er der 3.800 regler i grupperingslogikken.

Hver regel består af en række krav. Kravene kan være til en eller flere af følgende:

- Aktionsdiagnose, inkl. evt. tillægskoder
- Bidiagnoser
- Procedurekoder (operationskoder, behandlingskoder og undersøgelseskoder), inkl. eventuelle tillægskoder
- Patientens køn
- Alder i dage
- Antal gennemførte svangerskaber, inkl. dødfødsler og nuværende graviditet
- Udskrivningsmåde
- Indlæggelsesmåde (akut/elektiv)
- Antal kontaktdage

Den første regel som kontakten/forløbet opfylder kravet til er den, der bestemmer DRG-gruppen for kontakten/forløbet.

5.1 Loopmetode

Hvis et forløb består af flere kontakter, så skal det afgøres, hvilken af disse kontakter, der skal levere aktionsdiagnosen til forløbet. Dette gøres inde i CasemixGrouperen vha. en såkaldt loopmetode.

Rent teknisk gør Loop-metoden³, at aktionsdiagnosen for hver kontakt bruges som aktionsdiagnose på forløbet. Der dannes således et beregnet forløb, inde i CasemixGrouperen, per kontakt, der indgår i forløbet.

Hvert beregnet forløb grupperes, og ved at anvende *Calc* i kommandokaldet kan man i output se resultatet for alle de beregnede forløb.

Det beregnede forløb, der resulterer i den DRG-gruppe med den højeste takst, er det der bliver det endelige resultat af grupperingen. Hvis der er flere, der giver samme takst, så er det den sidste der vælges.

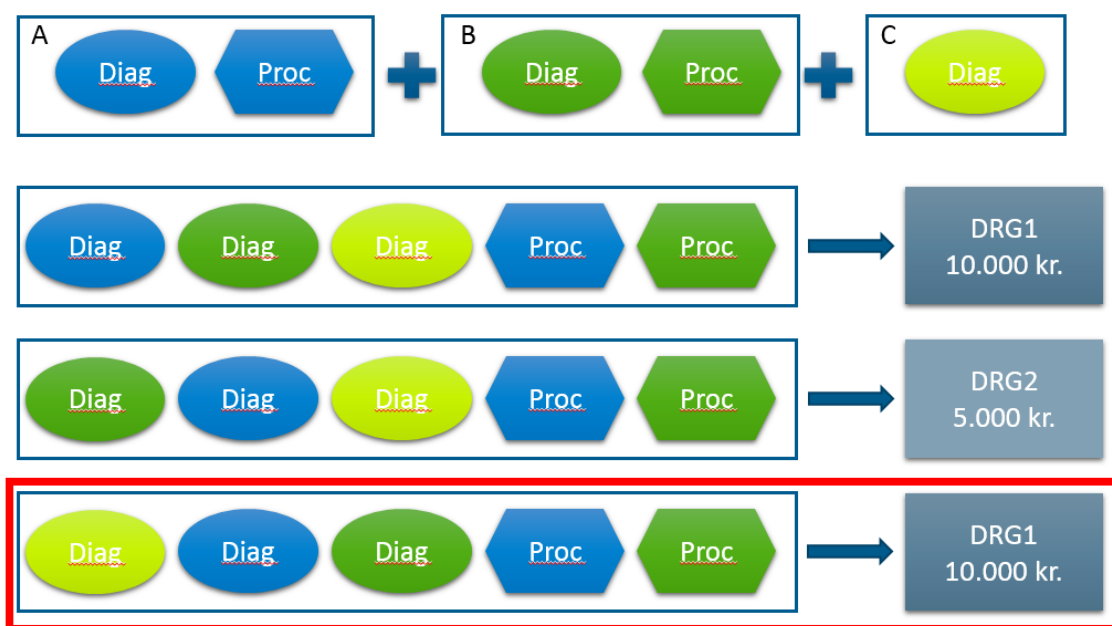
³ Se eksempel på loop-metoden i takstvejledningen for 2018 her: <https://sundhedsdatastyrelsen.dk/da/afregning-og-finansiering/takster-drg/takster-2018>

5.1.1 Eksempel på Loopmetode

I eksemplet i Figur 4 indgår der tre kontakter (A, B og C) i et forløb. For hver kontakt dannes der inde i CasemixGrouperen et beregnet forløb, hvor aktionsdiagnosen er fra den pågældende kontakt. Disse forløb grupperes.

I dette eksempel er det grupperingen af det første og det sidste beregnede forløb, der resulterer i den gruppe med den højeste takst. Når der er flere beregnede forløb, der giver samme gruppe eller samme takst, så vælger CasemixGrouperen det sidste som den endelige gruppering.

Figur 4 Loopmetode



Note: Resultatet er, at det er det nederste beregnede forløb, der giver det endelige grupperingsresultat. Aktionsdiagnosen kommer fra kontakt C.

6. Output fra CasemixGrouper

Outputfilerne er ligesom inputfilerne kommaseparerede tekst-filer.

6.1 Outputfiler

Som vist i Figur 1 kan der dannes op til 4 outputfiler.

- Outforl
 - Dannes ved alle kørsler
 - Indeholder grupperingresultatet for både kontakter og forløb
- OutCalcDiag
 - Indeholder diagnoseoplysninger på alle de udregnede forløb
- OutCalcProc
 - Indeholder procedureoplysninger på alle de udregnede forløb
- Trace
 - Indeholder oplysninger omkring hvilken "vej", der er foretaget i grupperingen

6.1.1 UTFORL

Ved alle kommandokald er grupperingsresultatet fra CasemixGrouperen angivet i filen UTFORL.

Tabel 9 Variable i UTFORL-filen

Navn	Beskrivelse
RecId	Er id for en enkelt kontakt i inputtet Fx: 2
CalcRecId	Er id for en beregnet enkelt kontakt, der blev skabt for at få et resultat for et forløb. CalcRecId vil have samme id som den enkelt kontakt den er baseret på Fx: 2
ForlType	Er typen for et bestemt forløb. Alle rækker der hører til den samme forløbstype indeholder samme tekst Fx: SGH
ForlId	Er id for et bestemt forløb inden for forløbstypen i kolonnen ForlType Fx: 1
Drg	Den resulterende DRG-gruppe Fx: 04MA12
Mdc	MDC for aktionsdiagnosen på den grupperede kontakt/forløb Fx: 04
Rtc	Rtc er en returkode og kan antage følgende værdier:

Navn	Beskrivelse
	0 - Gruppering er gennemført 1 - Aktionsdiagnose mangler 2 - Oplysning om køn mangler 3 - Oplysning om køn har ikke sammenhæng med diagnose 4 - Patienten er for ung til diagnosen 5 - Patienten er for gammel til diagnosen 7 - Sjældent eller forkert sammenhæng mellem diagnose og procedure 9 - Anden fejl Fx: 0
Regel	Regelnummeret for den endelige gruppering Fx: 3359.000
Points	Taksten på DRG-gruppen angivet under DRG Fx: 20711
Used	Indikerer for forløb, hvilken kontakt (under RecID), der har været udfaldsgivende for gruppering af forløbet (der har leveret aktionsdiagnosen). 0 = ikke udfaldsgivende, 1 = udfaldsgivende Det vil sige, at resultatet for grupperingen af forløbet (--ForlCalcRec) findes ved Used=1 Fx: 1

Bemærkninger

Hvis der vælges kun at gruppere enkelt kontakter (--rec), vil kolonnerne CalcRecId, ForlType, ForlId og Used være tomme.

Hvis der vælges kun forløbsgruppering (--forl) vil kolonnerne RecId og CalcRecId være tomme.

Hvis der vælges forløbsgruppering med output fra alle udregnede forløb (--forlCalc), så vil RecId være tom og CalcRecId vil være id for den enkelt kontakt, der har leveret aktionsdiagnose til det beregnede forløb. CalcRecId vil have samme id som den kontakt den er baseret på.

Hvis der vælges forløbsgruppering med output for alle udregnede forløb og output for gruppering af enkelt kontakter (--ForlCalcRec) vil RecId være id på kontakten fra inputtet. Den udslagsgivende kontakt (den der har leveret aktionsdiagnose til forløbet) for et forløb vil være den hvor Used=1.

6.1.1.1 Grupperingsresultat

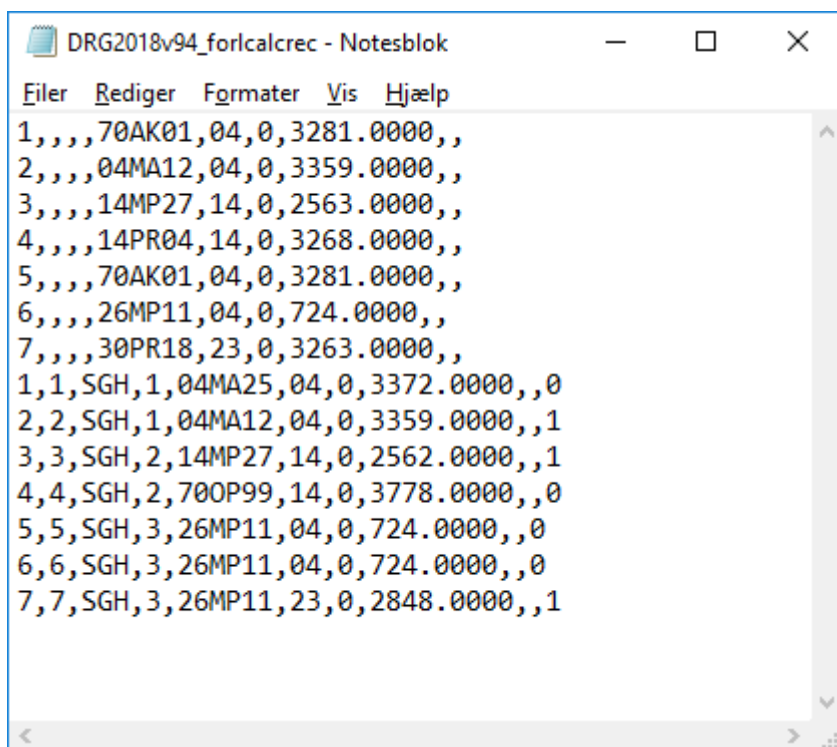
Resultat af grupperingen af enkelt kontakter står først i filen. Derefter står resultatet af grupperingen af forløb.

Resultatet for de enkelte kontakter findes under *DRG* ved hvert enkelt *Recid*, hvor *used* er forskellig fra 0 og 1.

Resultat for gruppering af forløbet findes under *DRG* ved at se på de rækker, hvor used=1.

6.1.1.2 Eksempel på outforl-fil

Nedenstående er et eksempel på en outputfil fra kørsel med --ForlCalcRec. Det vil sige, at der i denne kørsel både er blevet grupperet enkelt kontakter og forløb.



```

DRG2018v94_forlcalc - Notesblok
File Rediger Formater Vis Hjælp
1,,,70AK01,04,0,3281.0000,,
2,,,04MA12,04,0,3359.0000,,
3,,,14MP27,14,0,2563.0000,,
4,,,14PR04,14,0,3268.0000,,
5,,,70AK01,04,0,3281.0000,,
6,,,26MP11,04,0,724.0000,,
7,,,30PR18,23,0,3263.0000,,
1,1,SGH,1,04MA25,04,0,3372.0000,,0
2,2,SGH,1,04MA12,04,0,3359.0000,,1
3,3,SGH,2,14MP27,14,0,2562.0000,,1
4,4,SGH,2,70OP99,14,0,3778.0000,,0
5,5,SGH,3,26MP11,04,0,724.0000,,0
6,6,SGH,3,26MP11,04,0,724.0000,,0
7,7,SGH,3,26MP11,23,0,2848.0000,,1

```

Det vil sige at i ovenstående eksempel er resultatet af grupperingen af de enkelte kontakter følgende

Tabel 10 Resultat af gruppering af enkelt kontakter

RecId	DRG
1	70AK01
2	04MA12
3	14MP27
4	14PR04
5	70AK01
6	26MP11
7	30PR18

Resultatet af grupperingen af forløb findes ved Used=1.

Tabel 11 Resultat af gruppering af forløb

RecId	ForId	DRG
2	1	04MA12
3	2	14MP27
9	3	26MP11

Under RecId i ovenstående kan man se fra hvilken kontakt, at CasemixGrouperen har hentet aktionsdiagnosen til forløbet.

6.1.2 OUTCALCDIAG

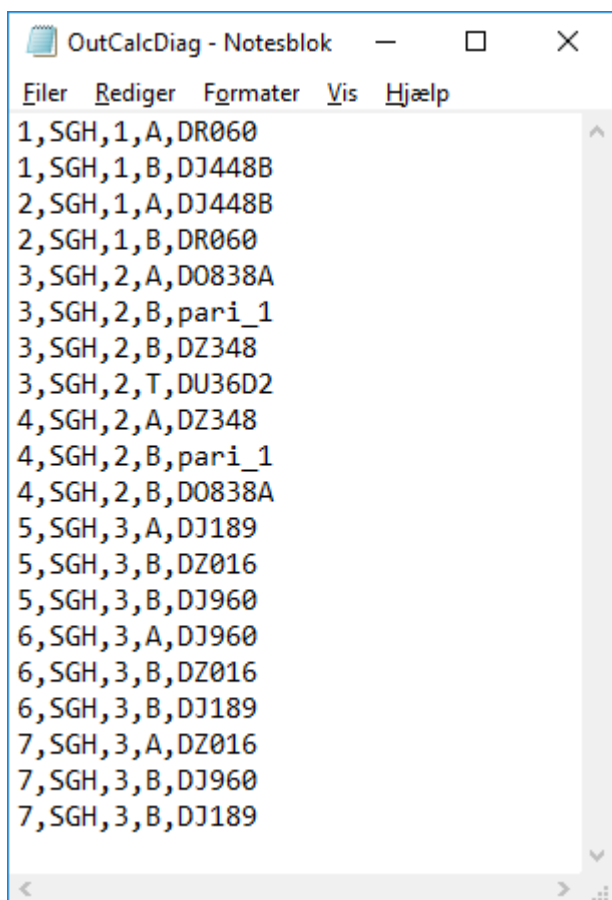
Filen indeholder diagnosekoder til de udregnede forløb, der bliver skabt for at udregne resultat af gruppering af forløbet.

Tabel 12 Variable i OutCalcDiag

Navn	Beskrivelse
CalcRecId	CalcRecId er id for udregnet enkeltrecord. Alle rækker med samme id hører til den samme enkeltrecord. Svarer til RecId i inputdata. Fx: 1
ForType	Er typen for et bestemt forløb. Alle rækker der hører til den samme forløbtype indeholder samme tekst Fx: SGH
ForId	Er identen for et bestemt forløb inden for forløbstypen i kolonnen ForType Fx: 1
Type	Fortæller hvilken type diagnose det drejer sig om. A = aktionsdiagnose, B = bidiagnose og T = tillægsdiagnose Fx: A
Code	Diagnose for en enkelt kontakt Fx: DR060

6.1.2.1 Eksempel på OutCalcDiag-fil

Nedenstående er et eksempel på en OutCalcDiag-fil.



Resultatet af gruppering af forløb 1 er at aktionsdiagnosen hentes fra kontakt 2. I ovenstående kan man se at med kontakt 2 som styrende for forløbet, da er aktionsdiagnosen for forløbet DJ448B og bidiagnosen er DR060.

6.1.3 OUTCALCPROC

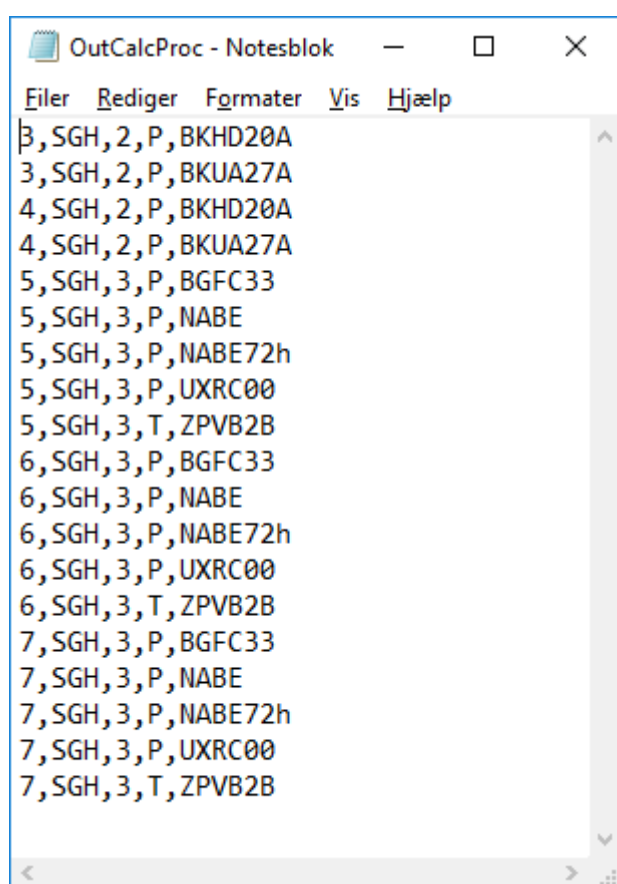
Filen indeholder procedurekoder til de udregnede forløb, der bliver skabt for at udregne resultat af gruppering af forløbet.

Tabel 13 Variable i OutCalcProc-fil

Navn	Beskrivelse
CalcRecId	CalcRecId er id for udregnet enkeltrecord. Alle rækker med samme id hører til den samme enkeltrecord. Svarer til RecId i inputdata. Fx: 3
ForlType	Er typen for et bestemt forløb. Alle rækker der hører til den samme forløbtype indeholder samme tekst Fx: SGH

Navn	Beskrivelse
ForlId	Er id for et bestemt forløb inden for forløbstypen i kolonnen ForlType Fx 2
Type	Fortæller hvilken type proceduren har. T = tillægskode til procedurer og P = primærprocedure. Tager kun tekststrengene der indeholder et af bogstaverne Fx: P
Code	Procedure for en enkelt kontakt Fx: BKHD20A

6.1.3.1 Eksempel på OutCalcProc



Da der ikke skiftes ud i procedurerne afhængigt af hvilken kontakt, der er styrende for forløbet, er det de samme procedurer, der indgår i de beregnede forløb.

Af ovenstående OutCalcProc-fil ses det, at der kun indgår procedurer i forløb 2 og 3.

Resultat af grupperingen af forløb 2 er, at det er kontakt 3, der er styrende for forløbet. Så hvis man vil have en oversigt over hvilke procedurer, der har indgået i forløb 2 kan man afgrænse til de rækker med CalcRecId=3.

Diagnoserne til forløbet hentes på samme måde med ForlId=2 og CalcRecId = 3 fra OutCalcDiag-filen.

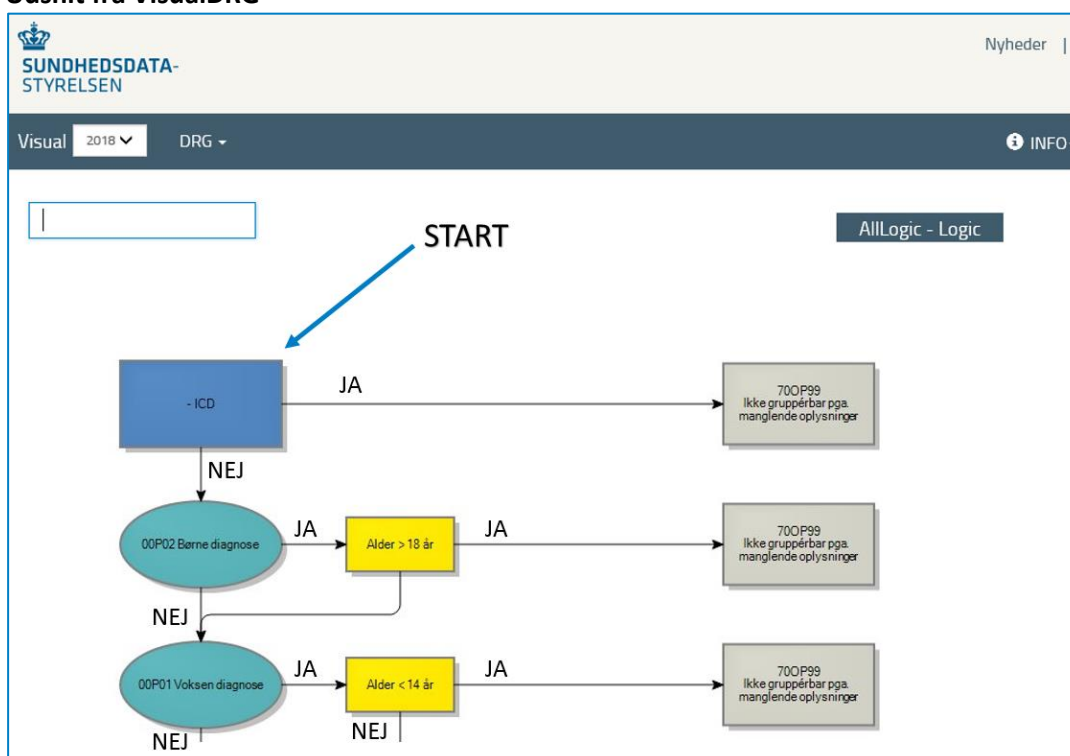
6.1.4 TRACE

Indeholder "stien" ned til den DRG-gruppe, der er resultatet af grupperingen.

"Stien" henviser til den måde grupperingslogik fremstilles på inde på VisualDRG (<http://visualdrg.sundhedsdata.dk/Diagram/Show/2018/DRG/AllLogic>). Grupperingslogikken er på VisualDRG bygget op som et beslutningstræ, hvor man ved hver egenskab skal sige JA eller NEJ. Hvis der siges JA, følges pilen til højre, hvis NEJ følges pilen ned. Hvis kontakten/forløbet opfylder kravet til indholdet i en egenskab, kan der siges JA. En egenskab kan være en samling af diagnoser eller procedurer, et krav til patientens alder, fysisk fremmøde, antal kontaktdage, krav til operationsstuekrævende procedure, køn, om patienten er død eller overført til en anden afdeling.

Man skal se på den samlede grupperingslogik og starte i øverste venstre hjørne.

Udsnit fra VisualDRG



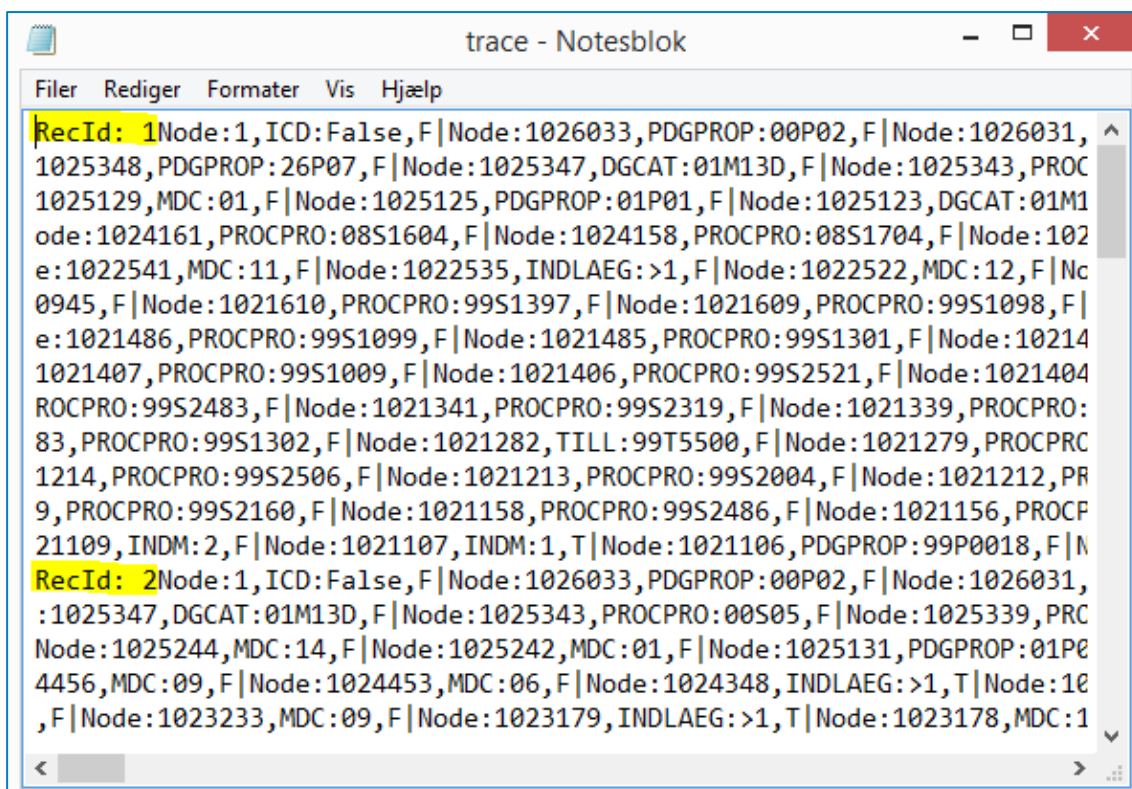
Den første egenskab angiver, hvorvidt aktionsdiagnosen er ugyldig.

I trace-filen angives JA med 'T' (True) og NEJ med 'F' (False). Alle egenskaber, angivet med *node* i trace-filen, der er gået igennem i stien ned til den endelige DRG-gruppe er angivet i tracefilen. Det vil sige, at hvis der er grupperet efter en regel langt nede i hierarkiet, da kan stien være lang.

Der kan være T ved egenskaber, der ikke har betydning for grupperingen til DRG-gruppen.
Fx grupperes kontakt 2 til DRG-gruppe 04MA12. I Trace-filen er det angivet at der er sagt JA til en egenskab, der siger, at der ikke må være en operationsstuekrævende procedure. Det har ikke betydning for grupperingen til 04MA12.

6.1.4.1 Eksempel på Trace-fil

Nedenstående er kun et udsnit af trace-filen, dannet ved en kørsel med kommandokaldet --Rec. Det er markeret med gult, hvor stien begynder for de enkelte kontakter.



```

Filer Rediger Formater Vis Hjælp
RecId: 1Node:1,ICD:False,F|Node:1026033,PDGPROP:00P02,F|Node:1026031,
1025348,PDGPROP:26P07,F|Node:1025347,DGCAT:01M13D,F|Node:1025343,PROC
1025129,MDC:01,F|Node:1025125,PDGPROP:01P01,F|Node:1025123,DGCAT:01M1
ode:1024161,PROCPR0:08S1604,F|Node:1024158,PROCPR0:08S1704,F|Node:102
e:1022541,MDC:11,F|Node:1022535,INDLAEG:>1,F|Node:1022522,MDC:12,F|Nc
0945,F|Node:1021610,PROCPR0:99S1397,F|Node:1021609,PROCPR0:99S1098,F|
e:1021486,PROCPR0:99S1099,F|Node:1021485,PROCPR0:99S1301,F|Node:10214
1021407,PROCPR0:99S1009,F|Node:1021406,PROCPR0:99S2521,F|Node:1021404
ROCPR0:99S2483,F|Node:1021341,PROCPR0:99S2319,F|Node:1021339,PROCPR0:
83,PROCPR0:99S1302,F|Node:1021282,TILL:99T5500,F|Node:1021279,PROCPRC
1214,PROCPR0:99S2506,F|Node:1021213,PROCPR0:99S2004,F|Node:1021212,PR
9,PROCPR0:99S2160,F|Node:1021158,PROCPR0:99S2486,F|Node:1021156,PROCF
21109,INDM:2,F|Node:1021107,INDM:1,T|Node:1021106,PDGPROP:99P0018,F|N
RecId: 2Node:1,ICD:False,F|Node:1026033,PDGPROP:00P02,F|Node:1026031,
:1025347,DGCAT:01M13D,F|Node:1025343,PROCPR0:00S05,F|Node:1025339,PRC
Node:1025244,MDC:14,F|Node:1025242,MDC:01,F|Node:1025131,PDGPROP:01P0
4456,MDC:09,F|Node:1024453,MDC:06,F|Node:1024348,INDLAEG:>1,T|Node:10
,F|Node:1023233,MDC:09,F|Node:1023179,INDLAEG:>1,T|Node:1023178,MDC:1

```

Nummeret ved *Node*, i ovenstående, angiver nummeret på egenskaben i det system, der har dannet CasemixGrouperen og har derfor ikke betydning for resultatet.

6.2 Eksempel på indlæsning af resultat i SAS

Man kan anvende nedenstående hvis man gerne vil indlæse outputdata i en tabel i SAS.

```
filename ud "F:\SUNDOK\kbh\Gruppering\casemix\out\DRG2018v94_forlcalcrec.out" lrecl=600;

data DRG2018_v94;
    infile ud delimiter="," dsd firstobs=1 missover;
    input recid CalcRecid forltype $ Forlid DRG $ mdc $ rtc $ regel $ points $ used;
run;
```

Ovenstående resulterer i følgende tabel for det gennemgående eksempel

VIEWTABLE: Work.Drg2018_v94										
	recid	CalcRecid	forltype	Forlid	DRG	mdc	rtc	regel	points	used
1	1	.	.	.	70AK01	04	0	3281.000	.	.
2	2	.	.	.	04MA12	04	0	3359.000	.	.
3	3	.	.	.	14MP27	14	0	2563.000	.	.
4	4	.	.	.	14PR04	14	0	3268.000	.	.
5	5	.	.	.	70AK01	04	0	3281.000	.	.
6	6	.	.	.	26MP11	04	0	724.0000	.	.
7	7	.	.	.	30PR18	23	0	3263.000	.	.
8	1	1 SGH	1	04MA25	04	0	0	3372.000	.	0
9	2	2 SGH	1	04MA12	04	0	0	3359.000	.	1
10	3	3 SGH	2	14MP27	14	0	0	2562.000	.	1
11	4	4 SGH	2	70OP99	14	0	0	3778.000	.	0
12	5	5 SGH	3	26MP11	04	0	0	724.0000	.	0
13	6	6 SGH	3	26MP11	04	0	0	724.0000	.	0
14	7	7 SGH	3	26MP11	23	0	0	2848.000	.	1

Resultatet for henholdsvis kontakter og forløb i ovenstående dannede tabel kan derefter fx findes på følgende måde.

```
proc sql;
    create table resultat_kontakt
    as select *
    from DRG2018_v94
    where used not in (0,1)
    ;
quit;

proc sql;
    create table resultat_forlob
    as select *
    from DRG2018_v94
    where used = 1
    ;
quit;
```

7. Variable anvendt i grupperingen - i data leveret til regioner

I Tabel 14 er inputvariablene listet med angivelse af hvilke variable det svarer til i det grupperede data, der leveres til regionerne.

Tabel 14 Variable i data anvendt til input til grupper

	DRGKONTAKT	DRGSGHFORLOB	PROCEDURE
RecId	ID		
ForId	DRGSGHFORLOB_ID	ID	
Sex	KOEN	KOEN	
Age	ALDER_DAGE	ALDER_DAGE_DRGSGHF	
Indm	INDMAADE	INDMAADE_DRGSGHF	
Kontaktage	KONTAKTDAGE	KONTAKTDAGE_DRGSGHF	
Discdisp	AFSLUTNING	AFSLUTNING_DRGSGHF	
Kontakttype	DRGKONTAKTTYPE	DRGKONTAKTTYPE_DRGSGHF	
Kontaktaarsag	KONTAKTAARSAG	KONTAKTAARSAG_DRGSGHF	
Diagnoser	DIA01*-DIA20, INK1-INK6		
Tillægskoder til aktionsdiagnosen	TDIA01-TDIA14		
Procedurer	INK1-INK6		PROCEDUREKODE
Tillægskoder til procedurer	TPROC01-TPROC10		

Note: Dækker både variable til gruppering af enkelt records og forløb
 *DIA01 er aktionsdiagnose. DIA02-DIA20 er bidiagnoser